

TABLE 1 Continued

	LEAARLKQKEQERKSLE-LEKQKED--AQRRV-QERDKQWLEHVQQEEQP	669
	: : : : : : : : : : : :	
	HKIKRDKLKEIERKRLEQIQKKLEDEAARKAKQGKENLWRESIRKEEEE	687
	RPRKPHEEDRLKREDSVRKKEAEERAKPEMQDKQSRLFHPHQEPAKLATO	
	: : : : : : : : : : : :	
	KQK-----RLQEESQDKTQEEER-KAEA--KQSET-----	
SH3A	APWSTTEKGPLTISAQESVKVVYRALYPFESRSUDEITIOPGDIVMVDE	769
	: : : : : : : : : : : :	
	-----ASALVNRYRALYPFEARNHDEMFSSSGDIIOVDE	748
	SOTGEPGWLGGLKGTGWFPANYAEKIPENEVPTPAKPVTDLTSAAPAK	
	: : : : : : : : : : : :	
	KTVGEPGWLYGSFOGKFGWFPCNYVEKVLSE-----KALSPK	
	LALRETAPLPVTSSSEPSTTPNNWADFSSWPSSSNEKPETDNWDTWAAQ	869
	: : : : : : : : : : : :	
	KALLPPTVSLSATST-SSQPPASVTDYHNV--SFSNLTVMNTTWQ----	827
	PSLTVPSAGQLRQRSATPATATGSSPSPVLGGQGEKVEGLQAOLYPWRA	
	: : : : : : : : : : : :	
	-----QKSAFTRTVSPGSV-SPIHGGOAVENLKAOLCSWTA	
SH3B	KKDNLHNFNKSDVITVLEOODMWWFGEVOGOKGWFPKSYVKLISGPVRKS	969
	: : : : : : : : : : : :	
	KKENHLNFSKHVDVITVLEOENWWFGEVHGGRGWFPKSYVKLI PGNEVQR	914
	TSIDTGPTESPASLKRVASPAAKPAIP-GEEFIAMTYTESSEOGDLTFOO	
	: : : : : : : : : : : :	
	GEPEALYA AVTKKPTSTAYPVTSTAYPVGEDYIALYSYSSVEPGDLTFTE	
SH3C	GDVIVVTKKDGDWWTGTVGDKSGVFPSNYVRLK DSEGSGTAGKTGSLGKK	1068
	: : : : : : : : : : : :	
	GEEILVTOKDGEWWTGSIGERTGIFPSNYVRPKDQENFGNASKSGASNKK	1014
SH3D	PEIAQVIASAYAATGPEOLTLAGOLILIRKNP GGWWEGELOARGKKROT	
	: : : : : : : : : : : :	
	PEIAOVTSAYAASGTEOLSLAPGOLILILKNTSGWWOGELOARGKKROK	
	GWFPANYVKLLSPGTSKITPTTEL PKTAVQPAVCQVIGMYDYTAONDDLA	
	: : : : : : : : : : : :	
	GWFPASHVKLLGPSSERTMPT-----FHAVCQVIAMYDYMANNEDELN	
SH3E	FSKGOIINVLNKEDPDWWKGEVSGOVGLFPSNYVKLT TDMDP SQQ	1213
	: : : : : : : : : : : :	
	FSKGOLINVMNKDDPDWWOGETNGLTGLFPSNYVKMTTSDSPSQWCADL	1157
	QALDTMOPTERKROGYIHელიOTEERYMD DLQLF EQKTL L	1197